**MẪU BÁO CÁO TÓM TẮT**

**HÀM LƯỢNG AMYLOSE VÀ SỰ BIẾN DỊ CỦA GEN *GRANULE BOUND STARCH SYNTHASE 1 (GBSS1*) TRÊN CÁC GIỐNG LÚA PHỔ BIẾN TẠI ĐỒNG BẰNG SÔNG CỬU LONG.**

**Nguyễn Văn A1\*, Trần Văn B1**

1Viện Công nghệ sinh học và thực phẩm, Trường đại học Cần Thơ

\*Tác giả liên lạc: [nva@ctu.edu.vn](mailto:nva@ctu.edu.vn)

**TÓM TẮT**

Lúa (Oryza sativa L.) là một trong những loại cây ngũ cốc thiết yếu nhất, nuôi sống hơn một nửa dân số thế giới, bao gồm hơn 90% người châu Á. Các đặc đặc tính quan trọng bao gồm hàm lượng amylose, mùi thơm, hình dạng và kích thước hạt, có liên quan đến chất lượng và giá trị thương mại của hạt gạo. Nghiên cứu này đã tìm hiểu các biến dị của gen *GBSS1* điều khiển hàm lượng amylose trong các giống lúa được trồng phổ biến ở Đồng bằng sông Cửu Long. Kết quả về hàm lượng amylose cho thấy các giống lúa được phân loại thành bốn nhóm: nhóm có hàm lượng amylose rất thấp (nếp dẻo), thấp, trung bình và cao. Bên cạnh đó, mối liên hệ giữa kiểu gen và hàm lượng amylose cho thấy các giống có hàm lượng amylose thấp có sự kết hợp của các SNP G trên *Exon 4* và SNP A trên *Exon 6*. Hàm lượng amylose trung bình và cao là sự kết hợp của SNP A trên *Exon 4* và SNP C trên *Exon 6*. Một đoạn chèn 23 bp trên *Exon 2* chỉ xuất hiện trên các giống lúa nếp. Mô hình phân tích FAMD (Factor Analysis of Mixed Data) cho thấy các tính trạng chính phản ánh sự đa dạng trong quần thể các giống lúa được khảo sát là hình dạng và kích thước hạt, kiểu gen liên quan đến hàm lượng amylose. Những kết quả này có thể được sử dụng trong các chương trình lai tạo và cải tiến giống lúa ở Đồng bằng sông Cửu Long.

*Từ khóa*: : Amylose, chất lượng, *GBSS1*, lúa